Genindexe
La génétique à votre service

Dossier : 251205008078 01

Date : 05/12/2025

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : COLONGES AUGUSTO Anne
Elevage : 35429
Demandeur : COLONGES AUGUSTO Anne
Organisation :
Préleveur : LEFEBVRE Kate (34564)
Référence : EXT20250370

COLONGES AUGUSTO Anne
260 Chemin de Palis

46260 PROMILHANES

Date de prélèvement : 01/12/2025
Nombre de prélèvements : 1
Espèce : CHAT
Date de naissance : 26/06/2025

Date de réception : 05/12/2025
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Race : BRI - British Shorthair
Sexe : Mâle

Pack génétique - BRITISH SHORTHAIR/WIREHAIR

Date d'exécution : 09/12/2025

Identification	Locus A - Agouti	Locus B - Couleur de base	Locus C - Patron (Sepia/Mink/Point)	Locus D - Dilution
1 Code ADN : FC88781 Nom : QUEST MIRABELLA HOUSE Puce : 900255002205123	A/A:Homozygote Agouti - Robe Agouti	b/b : Chocolat	C/cs : Couleur unie, porteur de Point (Siamois)	D/d : Porteur de dilution

Locus A : Basé sur l'étude du variant c.123delCA présent sur le gène ASIP (agouti signaling protein) influençant la pigmentation de la robe des chats. Le locus A peut présenter 2 allèles différents avec la dominance hiérarchique suivante : allèle A > allèle a.
Locus B : Basé sur l'étude des mutations c.8C>G et c.298C>T présent sur le gène TYRP1. Le locus B peut présenter 3 allèles différents avec la dominance hiérarchique suivante : B>b>bl.
Locus C : Basé sur l'étude des mutations c.679G>T (p.G227W) et c.901G>A (p.G301R) présent sur le gène TYR. Le locus C peut présenter 3 allèles différents avec la dominance hiérarchique suivante : C>cb>cs.
Locus D : Basé sur l'étude du variant c.83delT présent sur le gène MLPH (mélanophiline) influençant la couleur de la robe des chats. Le locus D peut présenter 2 allèles différents avec la dominance hiérarchique suivante : allèle D > allèle d.
Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.
Légendes:
A/A : Chat Agouti, porteur de 2 allèles agouti.
A/a : Chat Agouti, mais porteur d'un allèle non-agouti.
a/a : Chat non-agouti (poils unis), porteur de 2 allèles non-agouti.
B/B : Animal homozygote Noir.
B/b : Animal hétérozygote Noir porteur Chocolat.
B/bl : Animal hétérozygote Noir porteur Cinnamon.
b/b : Animal homozygote Chocolat.
b/bl : Animal hétérozygote Chocolat porteur Cinnamon.
bl/bl : Animal homozygote Cinnamon.
C/C : Animal homozygote pour l'allèle C. Robe en catégorie dite "traditionnelle" avec pleine expression de la couleur.
C/cb : Animal hétérozygote porteur d'un allèle C et d'un allèle cb responsable du patron Sépia. Robe en catégorie dite "traditionnelle" avec pleine expression de la couleur.
C/cs : Animal hétérozygote porteur d'un allèle C et d'un allèle cs responsable du patron Point. Robe en catégorie dite "traditionnelle" avec pleine expression de la couleur.
cb/cs: Animal hétérozygote porteur d'un allèle cb (Sépia) et d'un allèle cs (Point). La dominance de cb est incomplète, il s'exprime un patron de robe intermédiaire appelé Mink.
cb/cb : Animal homozygote pour l'allèle cb. Robe de catégorie Sépia (Burmese).
cs/cs : Animal homozygote pour l'allèle cs. Robe en catégorie Point (Siamois).
D/D : Chat non dilué, et non porteur de dilution.
D/d : Chat non dilué, mais porteur d'un allèle dilution.
d/d : Chat dilué, porteur de 2 allèles dilution.

Fait à Loudéac, le 09/12/2025

Olivier Yvernogeau
Technicien service Biologie Moléculaire

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

4, rue Théodore Botrel - BP 351 - 22603 LOUDEAC CEDEX - France
Tél. : +33 (0)2 96 28 63 43 - Fax : +33 (0)2 96 66 08 88
Mail : contact@genindexe.com - Site : www.genindexe.com

Bio Chêne-Vert - S.A.R.L au capital de 68 975, 83 € - SIREN 334 516 457 - APE 7500 Z - Formation permanente
53 350 17 19 35 - N° TVA FR 90 334 516 457 - **Siège social** : Z.I. de Bellevue 2 - B.P. 82101 - 35221
CHÂTEAUBOURG Cedex - Tél. : 02.99.00.33.43 - Fax : 02.99.62.30.65 - E-mail : biochenevert@biochenevert.fr

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : COLONGES AUGUSTO Anne
Elevage : 35429
Demandeur : COLONGES AUGUSTO Anne
Organisation :
Préleveur : LEFEBVRE Kate (34564)

COLONGES AUGUSTO Anne
260 Chemin de Palis

46260 PROMILHANES

Date de prélèvement : 01/12/2025
Date de réception : 05/12/2025
Nombre de prélèvements : 1
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT
Race : BRI - British Shorthair
Date de naissance : 26/06/2025
Sexe : Mâle

Pack génétique - BRITISH SHORTHAIR/WIREHAIR

Date d'exécution : 09/12/2025

Identification	Polykystose rénale (PKD)	Test FOLD		
1 Code ADN : FC88781 Nom : QUEST MIRABELLA HOUSE Puce : 900255002205123	NORMAL (+/+)	Homozygote non porteur de Fold (+/+)		

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation
PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation
ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

La présence de la mutation c.10063C>A présente sur le gène PKD1 est recherchée.Cette mutation est responsable de la polykystose rénale (PKD) chez de nombreuses races de chats, incluant : Persans, Exotics, British shorthair et longhair, Burmillas, Scottish fold, Highland fold, Selkirk, Ragdoll, et races apparentées. Le laboratoire décline toute responsabilité quant à l'interprétation d'un résultat de cette analyse réalisée sur une autre race que celles listées ci-dessus.
La présence de la mutation c.1024G>T présente sur le gène TRPV4 est recherchée. Cette mutation est responsable du phénotype « oreilles pliées » chez les chats de race Scottish et Highland. Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante, c'est-à-dire que les individus ayant reçu un seul allèle fold auront les oreilles pliées. Les individus ne possédant pas d'allèle(s) muté(s) auront les oreilles droites (straight). Les individus porteurs de deux copies de la mutation fold peuvent être sujets à des problèmes de santé graves affectant le cartilage et les os. Génotype +/+ : chat non porteur de fold, le chat aura les oreilles droites; Génotype +/- : chat porteur d'un allèle fold, le chat aura les oreilles pliées; Génotype -/- : chat homozygote porteur de 2 allèles fold, le chat aura les oreilles pliées et pourra présenter des malformations. Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

Fait à Loudéac, le 09/12/2025

Olivier Yvernogeau
Technicien service Biologie Moléculaire

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.